# 生物转化法重组谷氨酸脱羧酶合成 平氨基丁酸

期,抗晶晶,忻寅强,李桂兰,殷志敏 E

(南京师范大学生命科学学院, 江苏 南京 210046)

[摘要] 成功构建了一个高效表达大肠杆菌谷氨酸脱羧酶 GAD 来源的重组质粒 pET28ægadA,并转化 E. coli BL21(DE3),工程菌株经 0.4 mm ol/L IPTG或 1 g/L的乳糖, 37C 诱导表达 8 h, 粗酶液的酶活达到 12 U /m L, 大 约是出发菌株 E. ωli K-12的 60倍. 工程菌 1.15U 粗酶液以 31 g/L L-谷氨酸钠为底物,37℃、H 4.0条件下反 应 4 h, Y-氨基丁酸的生成量达到 19.57 g/L, L-谷氨酸钠的转化率为 93%,从而为 Y-氨基丁酸的生产提供了很好 的前景.

[关键词] 谷氨酸脱氢酶(GAD),工程菌,酶法合成, Y-氨基丁酸(GABA) [中图分类号] TS201. 2<sup>+</sup> 5 [文献标识码] A [文章编号]1001-4616(2010)03-0085-06

## Production of \( \sigma \) am inobutyric A cid(\( \sigma \)-GABA) by Bioconversion W ith Recombinant Glutamate Decarboxylase

Wang Qi Kang Jingjing Xing Yinq ang Li Guilan, Yin Zhim in

(School of Life Science, Nanjing Normal University, Nanjing 210046, China)

Abstract A recombinant plasmid named pET 28a-gadA which could highly produce glutamate decarboxylase was constructed. The recombinant plasmid was transformed to E. coli BL21 (DE3). Gutamate decarboxylase was produced at 37°C, which was incubated with 0.4 mm ol/L IPTG or 1 g/L lactose for 8 h. The activity of 1 mL crude extract of recombin ant strain was usually 12 U/m L, which was about 60 times higher than the activity of E. coli K - 12. In 1 m L reaction system, when 31 g/L L-G hN awas used, 1.15U crude extract pH 4.0, and incubation at 37°C for 4 h were the optimum condition The yield of Y-GABA was 19. 57 g/L. Finally, the rate of conversion from L-G hN a to the Y-GABA was up to 93%, which eventually can be provided a good prospect for the production of Y-am in obutyric acid.

K ey words G lutam ate decarboxy lase, engineered strain, enzym atic synthesis, Y-GABA

Y-氨基丁酸 ( Y-am inobutyric acid GABA )是一种天然存在的非蛋白组成氨基酸,以自由态形式广泛存 在于原核生物和真核生物中,是哺乳动物中枢神经系统的抑制性传递物质,介导了 40% 以上的抑制性神 经信号[1]. GABA 具有多种生理功能, 如降血压[2]、抗惊厥、预防癫痫[3]、改善睡眠、抗抑郁[4]、改善脑细  $\mathbb{R}^{[5]}$ 、促进激素分泌和保肝利肾[4]等,因而 GABA 在功能食品中具有广泛的应用前景,目前,国内外主要 采用化学合成法[0]和微生物发酵法[0]制备 [x]氨基丁酸. 化学合成法反应条件剧烈. 很难在食品企业实现: 微生物发酵法条件温和、安全、成本较低,但后处理过程复杂且生产周期长.生物转化酶法合成 GABA 可 提高底物转化率和产品纯度,具有节约后处理工序、缩短生产周期及降低环境污染等优点。谷氨酸脱羧酶 (glutamate decarboxylase, GAD, EC 4.1.1 15)催化 L-谷氨酸脱羧生成 ¥氨基丁酸和 ∞2, 是原核和真核生 物细胞中广泛存在的一种酶<sup>[8]</sup>. 许多国外研究者利用不同微生物中的 GAD 来生产 GABA, 但从复杂的发 酵液中回收 GABA 相对困难且价格昂贵. 低活性的细胞制备物一直是制约酶法合成 GABA 的重要因 素[9 10]. 尽管大肠杆菌 GAD和 GABA合成已经进行了广泛的研究, 但如何获取高活性的重组 GAD以及高 效率、低成本、酶法生产具有多种应用价值的 GABA方法很少见报道. 本研究将克隆 Escherich ia coliK – 12

收稿日期: 2010-05-31

通讯联系人: 殷志敏, 博士, 教授, 研究方向: 生物化学及细胞生物学. E-mail yinzhim in@ n jnu. edu. cn

 $(E.\ coli\ K-12)$ 中的 gadA 基因,转入到原核表达载体 pET28a中,构建了重组质粒 pET28a-gadA,将重组质粒转化到  $E.\ coli\ BL21$ 中,获得工程菌,并对由该工程菌制得的粗酶液催化 L-谷氨酸钠反应生成 V-氨基丁酸的能力进行了分析,为今后利用重组谷氨酸脱羧酶生产 V-氨基丁酸奠定基础.

## 1 材料与方法

#### 1.1 实验材料

1.1.1 菌种和质粒

E. coli K - 12, E. coli DH 5α、表达载体 pET 28 a, E. coli BL21(DE3)均由本实验室保存.

#### 1.1.2 试剂

限制性内切酶 NdeI ,BamH I 为 TaKaRa公司产品; T4DNA连接酶、TaqDNA聚合酶、核酸标准相对分子质量购自 TaKaRa公司;蛋白质分子量标准购自MBI公司;蛋白胨和酵母粉购自英国 OXO D公司;卡那霉素购于 Ameresco公司;乳糖购自广东西陇化工厂; IPTG购自 Merck公司;丙烯酰胺 (Acr)及甲叉双丙烯酰胺 (Bis)购自 Promega公司;四甲基乙二胺 (TEMED)购自 BioRad公司;考马斯亮蓝 R – 250购自 sanland公司;其余试剂均为国产分析纯.

#### 1.2 实验方法

#### 1.2.1 pET28a-gadA 重组质粒的构建

根据 *E.* ∞*li* K – 12的 gadA 基因序列设计引物,5′和 3′端分别加入 NdeI 和 BamH I 酶切位点.5′引物:5′–TCAGGA <u>CATATG</u> ATG GAC CAG AAG CTG TTA ACG–3′; 3′引物:5′–ACTGAG <u>GGATCC</u> TCA GGT GTG TTT AAA GCT GTT–3′.以 *E.* coli K – 12的基因组 DNA 为模板做 PCR: 95 ℃ 5 m in,30 × (94℃ 45 s,55℃ 45 s,72℃ 2 m in),72℃ 10 m in PCR 产物和 pET 28a 载体分别经 NdeI 和 BamH I 双酶切,并用 T4DNA 连接酶连接,转化 *E.* coli DH 5α 感受态细胞. 重组质粒 NdeI 和 BamH I 双酶切和重组质粒 PCR筛选阳性克隆,并进行 DNA测序. 该重组质粒命名为 pET 28a-gadA(具体操作参考 Novagen公司 pET System M anual).

#### 1.2.2 重组蛋白的诱导表达、鉴定

重组质粒 pET 28a-gadA 转化宿主菌  $E.\ coli\ BL21(DE3)$ , 工程菌 37<sup>°</sup>C培养至  $A_{600}$ 值为 0.5左右, 加入终浓度  $0.4\,\mathrm{mm}\,\mathrm{ol/L}\ \mathrm{IPTG}$ , 37<sup>°</sup>C诱导  $8\,\mathrm{h}$ , 诱导产物以  $12\%\ \mathrm{SDS-PAGE}$  电泳鉴定, 用江苏捷达科技发展有限公司捷达 801系列凝胶电泳图像分析系统 Band scan分析.

#### 1.2.3 粗酶液的制备

取  $40 \, ^{\text{µ}}\text{L}$ 冻存菌,接入  $4 \, ^{\text{m}}\text{L}$ 含卡那霉素 ( $30 \, ^{\text{µ}}\text{g/mL}$ )的 LB培养基中, $37 \, ^{\text{C}}$ 振荡培养过夜,取  $5 \, ^{\text{m}}$ L接入  $500 \, ^{\text{m}}\text{L}$ 含卡那霉素 ( $30 \, ^{\text{µ}}\text{g/mL}$ )的 LB培养基中, $37 \, ^{\text{C}}$ 振荡培养至  $A_{600}$ 值为  $0.5 \, ^{\text{E}}$ 左右,加入终浓度  $1 \, ^{\text{g}}$  /L的 乳糖  $37 \, ^{\text{C}}$ 诱导  $8 \, ^{\text{h}}$  12 000  $r \, ^{\text{m}}$  in离心收集菌体,用灭菌水洗涤菌体,再次离心收集菌体,用  $25 \, ^{\text{m}}$  L PBS重悬菌体。冰浴超声破碎菌体, $12 \, ^{\text{000}}$   $r \, ^{\text{m}}$  in离心  $20 \, ^{\text{m}}$  in取上清,制得谷氨酸脱羧酶粗酶液 GAD.

#### 1.2.4 GAD 脱羧酶活的测定

利用 Berthelot反应<sup>[11]</sup>的原理进行酶活测定, 200  $\mu$ L底物溶液和 100  $\mu$ L 酶液在 30°C反应一定时间 (根据活力大小确定 0.5~20 h), 然后置于冰浴中, 加入 200  $\mu$ L 0.2 mol/L 硼酸缓冲液 ( $\mu$ H 9.0)终止反应, 再加入 1.0 mL 6% 苯酚和 400  $\mu$ L 次氯酸钠溶液, 充分振荡后, 在沸水浴中反应 10 m in, 迅速在冰浴中冷却 20 m in, 在 630 nm 测定吸光值, 酶反应产物 GA BA 的定量以标准曲线确定, 相对酶活力以单位时间内  $A_{630}$ 值的变化表示, 每组测定同时做 3个重复, 求平均值. 一个酶活力单位 (U)定义为在测定条件下, 每分钟产生 1  $\mu$ m ol GA BA 所需的酶量.

#### 1.2.5 ¥-氨基 酸的合成

取 10 g/L的 L-谷氨酸钠, 0.6U 的粗酶液, 醋酸缓冲液调节  $_{\text{I}}\text{H}$  至 4.0 作为标准反应体系, 于 180 r/m in, 37°C的恒温摇床反应 2 h,沸水浴 5 m in终止反应, 高速离心后取上清分析.

#### 1.2.6 ¥-氨基 酸的测定

DNFB法 HPLC 分析检测, 具体操作参照文献<sup>[12]</sup>.

#### 1.2.7 X-氨基 酸产物的提纯和鉴定

将 1. 2. 5的上清在 60°C下真空浓缩干燥,得到 GABA 粗品,再向此粗品加入 3倍量 (质量比)的无水 乙醇,在  $70\sim75$ °C下搅拌溶解,趁热过滤,收集滤液,将温度降至室温,再降至  $0\sim4$ °C,静置 12 lh,过滤收集晶体,将所得晶体加入适量蒸馏水溶解,用透析袋进行脱盐 (脱盐除去无机小分子和离子),透析液进行真空冷冻干燥,得到白色针状晶体.取 5 mg y-氨基丁酸溶于 0.5 mL  $D_2O$  中,用 B muker 400 MH z spectrometer 进行  $^1$ H NMR 分析,并同 y-氨基丁酸标准品的图谱作比较.

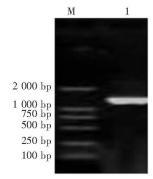
## 2 结果与分析

#### 2.1 gadA 基因的 PCR 扩增

利用上述设计的引物对  $E.\ \omega li\ K-12$ 进行 PCR 扩增,PCR 产物在 1% 琼脂糖凝胶电泳结果 (图 1)显示, 扩增出一个特异性的 DNA 条带, 相对分子质量大小介于  $1\ 000\ \mathrm{bp}$ 与  $2\ 000\ \mathrm{bp}$ 之间, 与理论值  $1\ 413\ \mathrm{bp}$ 相符.

#### 2. 2 pET 28 a-gadA 重组质粒的鉴定

对重组质粒用 N de I,BamH I 双酶切,获得大小约为 5 000 bp 与 1 400 bp 的 2个条带 (图 2),与理论值 5 329 bp 1 407 bp 一致,初步说明重组成功. 重组质粒经上海英俊生物技术有限公司测序,结果表明,克隆的基因片段全长 1 401 bp 在 NCB I上 BLA ST 检索显示,克隆的基因片段与 E.  $\omega$  li K – 12 的 gadA 基因编码序列同源性达 100%. 因此,可以确定 gadA 基因已经克隆到 pET 28a载体中,且方向正确.

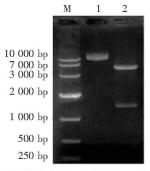


M:DL2000 DNA Marker;1:gadA PCR 产物

图 1 gadA 基因 PCR 扩增产物 1%琼脂糖凝胶电泳分析 Fig.1 1% Agarose gel electrophoresis analysis the PCR amplification product of gadA

### 2.3 表达产物 SDS-PAGE 分析

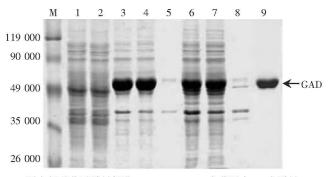
E. coli K - 12的 gadA 基因编码 466个氨基酸,由于克隆的 gadA 基因插入位置在pET 28a载体的 H is-tag上游,使用 gadA 基因自带的终止密码子,所以重组菌表达的 GAD 实际包含 484个氨基酸,相对分子质量约 53 000 取经 0.4 mm ol/L IPIG 和 1 g/L 的乳糖, 37℃诱导 8 h后的菌液离心收集菌体,进行 SDS-PAGE分析,结果(图 3)显示,在 53 000位置有较浓的特征蛋白条带出现,与预期相对分子质量相一致,而对照组均无此条带,说明工程菌能表达出 GAD蛋白.经江苏捷达科技发展有限公司捷达 801 系列凝胶电泳图像分析系统 Band scan分析, GAD 蛋白表达量占细胞总蛋白的70%左右,表达产物的可溶性好,未见包涵体.



M:DL10000 DNA Marker;1:pET28a -gadA;2:pET28a -gadA (Nde I 和 BamH I 双酶切)

图 2 重组质粒双酶切 1%琼脂糖凝胶电泳分析

Fig.2 1% Agarose Gel Electrophoresis analysis recombinant plasmid after digested with restriction enzymes(Nde I and BamH I)



M: 蛋白相对分子质量标准;1:BL21-pET28a 全菌蛋白;2: 未诱导 BL21-pET28a-gadA 全菌蛋白;3:0.4 mmol/L IPTG 诱导的 BL21-pET28a-gadA 全菌蛋白;6:1 g/L 乳糖诱导的 BL21-pET28a-gadA 全菌蛋白;4 和 7:对应的 3 和 6 的上清蛋白;5 和 8: 对应的 3 和 6 的沉淀蛋白;9: 纯化的GAD蛋白;箭头所示为目的蛋白

图 3 工程菌表达产物 SDS-PAGE 分析

Fig.3 SDS-PAGE analysis the expression of the recombinant GAD from LB (induced by 0.1% lactose and 0.4 mM IPTG)

利用位于重组蛋白氨基端的 H is-Tag进行亲和层析纯化,每升重组菌可得 GAD 蛋白 43 m g

#### 2.4 工程菌 GAD 活性检测

Berthe bt反应测定 GAD 粗酶液的酶活,用乳糖诱导的工程菌粗酶液的酶活达到 12 U /mL 左右,出发菌株 E.  $\omega li$  K-12 粗酶液的酶活仅为 0.2 U /mL,每毫升工程菌粗酶液的酶活大约是每毫升出发菌 E.  $\omega li$  K-12 粗酶液的 60 G.

#### 2.5 反应条件的优化

#### 2.5.1 最适反应温度

在 1 mL 反应体系中,以 10 g/L L谷氨酸钠为底物,0.6 U 粗酶液作酶源,醋酸缓冲液将  $_{\text{I}}$ H 调至 4.0 在不同的温度下反应 2 h 结果表明 (图 4),酶活随着反应温度升高而升高,在 37 C 时达到最高,  $_{\text{L}}$  氨基丁酸生成量最大. 40 C 以后  $_{\text{L}}$  氨基丁酸浓度急剧下降,可能是因为温度过高使酶蛋白变性.

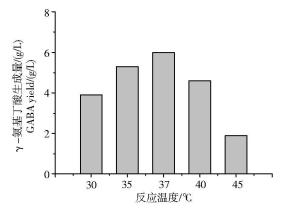


图 4 反应温度对 γ-氨基丁酸生成量的影响(所有试验数据均经过 3 次以上重复得到平均值,下同)

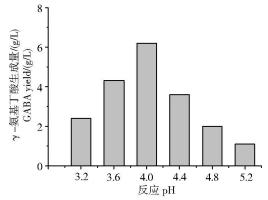


图 5 pH 对 γ-氨基丁酸生成量的影响 Fig.5 The effect of pH to the yield of γ-aminobutyric acid

Fig.4 The effect of temperature to the yield of  $\gamma$ -aminobutyric acid

#### 2.5.2 反应的最适 pH

在 1 mL 反应体系中,以 10 g/L 的 L谷氨酸钠作底物,0.6 U 粗酶液作酶源,醋酸缓冲液调节不同的 pH,37°C 反应 2 h 各 pH 对应的 3-氨基丁酸生成量参见图 5,pH 在 4.0 左右大肠杆菌谷氨酸脱羧酶活性最高,3-氨基丁酸生成量最大,与文献报道相符 [13] .

#### 2.5.3 最适底物浓度的确定

在 1mL反应体系中,以不同浓度的 L谷氨酸钠为底物, 0.6U 粗酶液作酶源, pH 4.0, 温度 37℃反应 2 h 不同浓度的 L谷氨酸钠对应的 ¼-氨基丁酸生成量如图 6, L谷氨酸钠浓度为 18 g/L时, ¼-氨基丁酸生成量最高. 之后继续增加 L-谷氨酸钠浓度不利于反应分子的碰撞, ¾-氨基丁酸生成量反而有略微的下降.

#### 2.5.4 酶量

在 1 mL反应体系中,以 18 g/L的 L-谷氨酸钠为底物,分别加入不同酶量做酶源, 37℃, pH 4.0条件

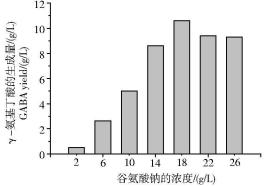


图 6 L-谷氨酸钠浓度对 y-氨基丁酸生成量的影响

Fig.6 The effect of sodium glutamate concentration to the yield of γ-aminobutyric acid

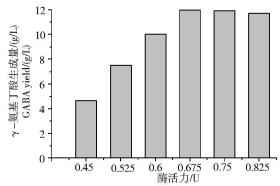


图 7 酶量对 γ-氨基丁酸生成量的影响 Fig.7 The effect of enzyme activity to the yield of

Fig.7 The effect of enzyme activity to the yield of γ-aminobutyric acid 下反应 2 h. 结果 (图 7)表明, 在添加酶量较小的情况下, Y-氨基丁酸生成量随着酶量的增加而提高, 在酶量为 0. 675 U 时增加趋势趋于平缓, 这时酶的催化能力基本达到饱和. 继续增加粗酶量对 Y-氨基丁酸生成量影响不大. 出于成本考虑, 本研究选定酶活为 0. 675 U 的粗酶液作为标准反应体系.

#### 2.5.5 反应体系的浓缩

在  $1 \,\mathrm{mL}$  反应体系中,参照 2.5.4中 L-谷氨酸钠和 GAD 酶活力的比例,将底物浓度和酶量浓缩至不同倍数, $37^{\circ}$ C pH 4.0条件下反应  $2 \,\mathrm{h}$  结果 (图 8)表明, $37^{\circ}$ 与氨基丁酸生成量在底物和酶量浓缩至 1.7倍时最高,浓缩倍数更高时  $37^{\circ}$ 与氨基丁酸生成量反而降低,可能是因为底物和粗酶液的增加使反应液粘稠,不利于反应中的分子碰撞.

#### 2.5.6 反应时间

1 mL 反应体系中,以 31 g/L 的 L-谷氨酸钠为底物,1.15 U 粗酶液作酶源,37 C pH 4.0条件下持续反应 6 h,每隔 1 h取样分析.实验 (图 9)表明,反应时间 4 h时 Y-氨基丁酸生成量最高,为 19.57 g/L,此时 L-谷氨酸钠的转化率为 93%. 4 h后 Y-氨基丁酸生成量有所降低,可能是由于 Y-氨基丁酸的积累以及底物和 Y-氨基丁酸被粗酶液中某些物质消耗所致.

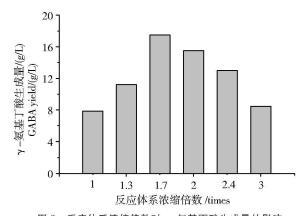


图 8 反应体系浓缩倍数对 γ-氨基丁酸生成量的影响 Fig.8 The effect of weight concentrations to the yield of

γ-aminobutyric acid

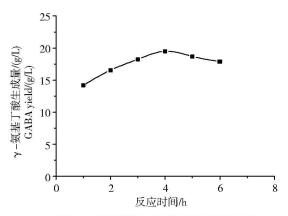


图 9 γ-氨基丁酸生成量随反应时间的变化

Fig.9 The effect of reaction time to the yield of γ-aminobutyric acid

#### 2.5.7 NMR鉴定

结晶得到的 Y-氨基丁酸无色透明,晶体粗大,宏观形态呈柱状平行六面体,通过  $H^{1}NMR$  分析,合成的 Y-氨基丁酸样品与标品  $H^{1}$  图谱一致 (结果未显示 ).

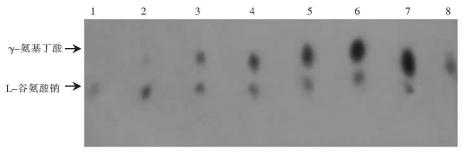
## 3 讨论

构建了高效表达 GAD 的基因工程菌,37 °C诱导得到的重组 GAD活力达到出发菌株  $E.\ coli\ K-12$ 的 60倍. 利用工程菌粗酶液以 L-谷氨酸钠为底物催化合成  $\checkmark$ 氨基丁酸,实验得到的最佳反应条件为: 底物 L-谷氨酸钠 31 g/L,添加酶活力为 1. 15 U 的粗酶液,pH 4. Q 温度 37°C持续反应 4 h,  $\checkmark$ -氨基丁酸生成量达到 19.57 g/L, L-谷氨酸钠的转化率为 93%,有较好的应用前景. 本实验室在上述优化反应条件下进行的放大体系反应中,底物采取少量多次的添加方式,GAD粗酶液具有较好的酶活 (图 10),每次添加底物都具有较高的转化率,加入 100 g的 L-谷氨酸钠底物使得反应体系中的 GABA 不断积累,最终达 60 g/L, 保证了高的转化率。产物纯度也较高.

由于 IPTG的高成本及其对细菌的毒害作用,对获得大量 GAD重组蛋白及后续药用生产将产生诸多不利影响. 本实验中用乳糖诱导,整体诱导效果较 IPTG好,诱导的目的蛋白约占总菌蛋白的 70% 左右,实现了高表达和低成本,同时表达的重组 GAD具有良好的可溶性和较高活性,这些为利用酶法工业化生产 Y-氨基丁酸奠定了很好的基础. 本实验构建的重组菌使 GAD高效表达,粗酶液具有较好的催化 L-谷氨酸钠合成 Y-氨基丁酸的能力. 用粗酶液催化合成 Y-氨基丁酸步骤简单,成本低廉, L-谷氨酸钠转化率仅比纯酶稍低,具有较好的应用前景.

由于谷氨酸脱羧酶是一种吡醛类裂解酶、磷酸吡哆醛以及部份二价金属阳离子能够明显影响大肠杆

菌谷氨酸脱羧酶的酶活性,从而可以提高生物转化 ¥—氨基丁酸的转化效率,有关酶学特性在进一步的研究当中.本实验为利用重组大肠杆菌谷氨酸脱羧酶生产 ¥—氨基丁酸提供了一定的参考数据.



L-谷氨酸钠标准品(0.2 mol/L);2,3,4,5,6,7:重组菌 GAD 粗酶液分别催化反应 0 h,1 h,3 h,5 h,7 h 和 9 h;8:γ-氨基丁酸标准品(0.2 mol/L)

#### 图 10 纸层析分析 GAD 粗酶液合成 γ-GABA

Fig.10 Paper chromatography analysis of  $\gamma$ -GABA synthesis by crude GAD

#### [参考文献]

- [1] Roberts E, Frankel S Y-Aminobutyric acid in brain its formation from glutamic acid[J]. Journal of Biological Chemistry, 1950, 187, 55-631.
- [2] Hayakawa K, Kimura M, Kasaha K, et al Effect of Y-am in obuty ric acid enriched dairy product on the blood pressure of spontaneously hypertensive and norm otensive W istar-Kyoto mats[J]. British Journal of Nutrition, 2004, 92(3): 411-417.
- [3] Cossart R, Bernard C, Bern-Ari Y. Multiple facets of GABA ergic neurons and synapses multiple fates of GABA signalling in epilepsies [J]. Trends in Neurosciences 2005, 2(28): 108-115.
- [4] Tadashi O, Tomoko S Effect of defatted rice germ with GABA for sleep lessness, depression, autonomic disorder by oral administration [J]. Nippon Shokuhin Kagaku Kajaku Kajak
- [5] 郭晓娜, 朱永义, 朱科学. 生物体内 GABA 的研究 [J]. 氨基酸和生物资源, 2003, 25(2): 70-72
- [6] Abb jasova L E, Tuzov D G. Method of Synthesis of Y Am inobuty ric Acid RU, 2202538[P]. 2003-04-201
- [7] Nomura M, K in oto H, Someya Y, et al Production of Y-Am inobutyric acid by cheese starters during cheese ripening [J]. Dairy Foods 1998, 81: 1486-1491.
- [8] 赵艳, 梁新乐, 张虹. 大肠杆菌谷氨酸脱羧酶的结构、功能及其基因表达调控 [J]. 食品与发酵工业, 2006, 32(7): 75-78
- [9] ChoiS J Lee JW, Park SM, et al. Improvement of gamma-am inobutyric acid (GABA) production using cell entrapment of Lac obacillus brevis GABA 057[J]. Journal of Microbiology and Biotechnology, 2006, 16: 562-568.
- [10] Kom atsuzak i N, Shin a J, Kawamoto S, et al Production of Y-am in obuty ric acid (GABA) by Lactobacillus paracasei isolated from traditional fermented foods[J]. Food M icrobiology, 2005, 22: 497-504.
- [11] 许建军,江 波,许时婴.比色法快速测定乳酸菌谷氨酸脱羧酶活力及其应用[J]. 微生物学通报, 2004, 31(2): 66-71.
- [12] 陈海军,林亲录,王婧,等. Y-氨基丁酸测定方法的研究 [J]. 食品工业科技, 2007, 28(5): 235-247.
- [13] Capitan i G, De Biase D, Aurizi C, et al Crystal structure and functional analysis of Escherichia coli glutamate decarboxylase [J]. The EMBO Journal, 2003, 22(16): 4 027-4 037.

[责任编辑: 孙德泉]